

**公司产品仅供科学研究使用，不得用于临床诊断！**

产品名称：**白色念珠菌基因组DNA**

英文名称：Genomic DNA from *Candida albicans* (Robin) Berkhout

规格：5μg/支

货号：PJZ564

**基本信息：**

<p><b>白色念珠菌基因组DNA培养基</b></p>	<p>酵母浸粉：3.0，麦芽提取物：3.0，葡萄糖：10.0，酪蛋白胨：5.0，琼脂：20.0，pH：6.2±0.2 (25°C)</p>
<p>传代方法</p>	<p>使用前请先在缓冲液GD和漂洗液PW中加入无水乙醇，加入体积请参照瓶上的标签；1.取酵母细胞（最多不超过<math>5 \times 10^7</math> cells），12,000rpm(13,400×g)离心1min，尽量吸除上清（菌液较多时可以通过几次离心将菌体沉淀收集到一个离心管中）；2.酵母细胞壁的破除：酶法：向菌体中加入600μL山梨醇buffer，加入大约50U Lyticase，充分混匀。30°C处理30min。4000rpm(1500×g)离心10min，弃上清，收集沉淀。注意：以上为<math>5 \times 10^7</math> 酵母细胞的Lyticase用量，根据酵母的菌株和酵母细胞数量的不同，所用Lyticase的浓度和孵育时间应该进行适当调整；3.向沉淀中加入200μL缓冲液GA重悬沉淀，充分混匀。如果需要去除RNA，可加入4μL RNase A (100mg/mL) 溶液，振荡15sec，室温放置5min；4.加入20μL Proteinase K溶液，混匀；5.加入220μL缓冲液GB，充分颠倒混匀，70°C放置10min，溶液应变清亮，简短离心以去除管盖内壁的水珠。注意：加入缓冲液GB时可能会产生白色沉淀，一般70°C放置时会消失，不会影响后续实验。如溶液未变清亮，说明细胞裂解不彻底，可能导致提取DNA量少和提取的DNA不纯；6.加220μL无水乙醇，充分颠倒混匀，此时可能会出现絮状沉淀，简短离心以去除管盖内壁的水珠；7.将上一步所得溶液和絮状沉淀都加入一个吸附柱CB3中（吸附柱放入收集管中），12,000rpm(13,400×g)离心30sec，倒掉废液，将吸附柱CB3放入收集管中；8.向吸附柱CB3中加入500μL缓冲液GD（使用前请先检查是否已加入无水乙醇），12,000rpm(13,400×g)离心30sec，倒掉废液，将吸附柱CB3放入收集管中；9.向吸附柱CB3中加入600μL漂洗液PW（使用前请先检查是否已加入无水乙醇），12,000rpm(13,400×g)离心30sec，倒掉废液，将吸附柱CB3放入收集管中；10.重复操作步骤9；11.将吸附柱CB3放回收集管中，12,000rpm(13,400×g)离心2min，倒掉废液。将吸附柱CB3置于室温放置数分钟，以彻底晾干吸附材料中残余的漂洗液。注意：这一步的目的是将吸附柱中残余的漂洗液去除，漂洗液中乙醇的残留会影响后续的酶反应（酶切、PCR等）实验；12.将吸附柱CB3转入一个干净的离心管中，向吸附膜的中间部位悬空滴加50-200μL洗脱缓冲液TE，室温放置2-5min，12,000rpm(13,400×g)离心2min，将溶液收集到离心管中。注意：为增加基因组DNA的得率，可将离心得到的溶液再加入吸附柱中，室温放置2min，12,000rpm(13,400×g)离心2min。洗脱缓冲液体积不应少于50μL，体积小会影响回收效率。洗脱液的pH值对于洗脱效率有很大影响。若用ddH<sub>2</sub>O做洗脱液应保证其pH值在7.0-8.5范围内，pH值低于7.0会降低洗脱效率；且DNA产物应保存在-20°C，以防DNA降解；</p>
<p>生长条件</p>	<p>培养温度30°C；培养时间24-48小时；气体环境好氧；</p>

存储条件	2-8°C
安全等级	1
应用领域	
共享方式	公益性共享

---

[www.pyram.cn](http://www.pyram.cn)