

公司产品仅供科学研究使用，不得用于临床诊断！

产品名称：**近平滑假丝酵母基因组DNA**

英文名称：Genomic DNA from *Candida parapsilosis*

规格：5µg/支

货号：PJZ1237

基本信息：

<p>近平滑假丝酵母基因组DNA培养基</p>	<p>酵母浸粉：3.0，麦芽提取物：3.0，葡萄糖：10.0，酪蛋白胨：5.0，琼脂：20.0，pH：6.2±0.2 (25°C)</p>
<p>传代方法</p>	<p>使用前请先在缓冲液GD和漂洗液PW中加入无水乙醇，加入体积请参照瓶上的标签；1.取细菌培养液1-5ml，10,000rpm(11,500×g)离心1min，尽量吸净上清；2.向菌体沉淀中加入200µL缓冲液GA，振荡至菌体彻底悬浮。注意：对于较难破壁的革兰氏阳性菌，可略过第2步骤，加入溶菌酶溶液进行破壁处理，具体方法为：加入110µL缓冲液(20mM Tris,pH8.0；2mM Na₂-EDTA；1.2%Triton)，和70µL溶菌酶溶液，37°C处理30min以上。如果需要去除RNA，可加入4µL RNase A (100mg/mL) 溶液，振荡15sec，室温放置5min；3.向管中加入20µL Proteinase K溶液，混匀；4.加入220µL缓冲液GB，振荡15sec，70°C放置10min，溶液应变青亮，简短离心以去除管盖内壁的水珠。注意：加入缓冲液GB时可能会产生白色沉淀，一般70°C放置时会消失，不会影响后续实验。如溶液未变青亮，说明细胞裂解不彻底，可能导致提取DNA量少和提取出的DNA不纯；5.加220µL无水乙醇，充分振荡混匀15sec，此时可能会出现絮状沉淀，简短离心以去除管盖内壁的水珠；6.将上一步所得溶液和絮状沉淀都加入一个吸附柱CB3中(吸附柱放入收集管中)，12,000rpm(13,400×g)离心30sec，倒掉废液，将吸附柱CB3放入收集管中；7.向吸附柱CB3中加入500µL缓冲液GD(使用前请先检查是否已加入无水乙醇)，12,000rpm(13,400×g)离心30sec，倒掉废液，将吸附柱CB3放入收集管中；8.向吸附柱CB3中加入600µL漂洗液PW(使用前请先检查是否已加入无水乙醇)，12,000rpm(13,400×g)离心30sec，倒掉废液，吸附柱CB3放入收集管中；9.重复操作步骤8；10.将吸附柱CB3放回收集管中，12,000rpm(13,400×g)离心2min，倒掉废液。将吸附柱CB3置于室温放置数分钟，以彻底晾干吸附材料中残余的漂洗液。注意：这一步的目的是将吸附柱中残余的漂洗液去除，漂洗液中乙醇的残留会影响后续的酶反应(酶切、PCR等)实验；11.将吸附柱CB3转入一个干净的离心管中，向吸附膜的中间部位悬空滴加50-200µL洗脱缓冲液TE，室温放置2-5min，12,000rpm(13,400×g)离心2min，将溶液收集到离心管中。注意：洗脱缓冲液体积不应少于50µL，体积过小影响回收效率。洗脱液的pH值对于洗脱效率有很大影响。若用ddH₂O做洗脱液应保证其pH值在7.0-8.5范围内，pH值低于7.0会降低洗脱效率；且DNA产物应保存在-20°C，以防DNA降解。为增加基因组DNA的得率，可将离心得到的溶液再加入吸附柱CB3中，室温放置2min，12,000rpm(13,400×g)离心2min；</p>
<p>生长条件</p>	<p>30°C；18-24h；好氧；</p>
<p>存储条件</p>	<p>2-8°C</p>

安全等级	0
共享方式	公益性共享

www.pyram.cn